年 第11卷	生	态	毒	理	学	报	
期,173-181	Asia	n Jou	rnal o	f Eco	toxicc	ology	

DOI: 10.7524/AJE.1673-5897.20150515001

2016

第1

陈曦, 洪响生, 吴慧敏, 等. 稀有鮈鲫神经发育相关基因的克隆、同源性分析及组织分布[J]. 生态毒理学报,2016, 11(1): 173-181 Chen X, Hong X S, Wu H M, et al. Cloning, homology analysis, and distribution of neural development related genes of Chinese rare minnow (*Gobio-cypris rarus*) [J]. Asian Journal of Ecotoxicology, 2016, 11(1): 173-181 (in Chinese)

稀有鮈鲫神经发育相关基因的克隆、同源性分析及组 织分布

陈曦^{1,2},洪响生^{1,2},吴慧敏^{1,2},查金苗^{2,*},覃剑晖¹

1. 华中农业大学水产学院,武汉 430070

2. 中国科学院生态环境研究中心 环境水质学国家重点实验室,北京 100085

收稿日期:2015-05-15 录用日期:2015-06-01

摘要:作为重要的本土模式鱼类,稀有鮈鲫神经发育相关的生物学背景几乎空白,导致其在神经毒性评价方面的应用受到限制。本文从稀有鮈鲫脑部克隆得到了神经发育相关的神经生长因子(nerve growth factor;ngf)、脑源性神经营养因子(brain-derived neurotrophic factor;bdnf)、胶质纤维酸性蛋白(glial fibrillary acidic protein;gfap)、髓鞘相关糖蛋白(myelin-associated glycoprotein;mag)、P0蛋白(myelin protein zero;mpz)、微管蛋白 α 1 (α 1-tubulin)和Y染色体性别决定基因 10(SRY-box containing gene 10;sox10)等基因的片段,并对其进化树及表达谱进行了分析。序列分析表明,bdnf 的核苷酸序列与鲫鱼、鲤鱼的同源性最高, 均为98%;gfap、ngf、mag 和 α 1-tubulin 与斑马鱼的同源性最高,分别为95%、92%、92%和96%;mpz 与黑头软口鲦的同源性最 高,为94%;sox10 与鳙鱼同源性最高,达97%。表达谱分析结果表明,ngf、bdnf、mag、mpz、 α 1-tubulin和 sox10基因均在脑组 织中表达量最高,gfap 在脊髓中表达量最高,上述结果为这一模式鱼类在神经发育学和神经毒性效应评价方面的应用奠定了 基础。

关键词:神经系统发育相关基因;稀有鮈鲫;克隆;同源性分析;组织分布 文章编号:1673-5897(2016)1-173-09 中图分类号:X171.5 文献标识码:A

Cloning, Homology Analysis, and Distribution of Neural Development Related Genes of Chinese Rare Minnow (*Gobiocypris rarus*)

Chen Xi^{1, 2}, Hong Xiangsheng^{1, 2}, Wu Huimin^{1, 2}, Zha Jinmiao^{2, *}, Qin Jianhui^{1, 2}

1. College of Fishery, Huazhong Agricultural University, Wuhan 430070, China

2. State Key Laboratory of Environmental Aquatic Chemistry, Research Center for Eco-Environmental Sciences, Chinese Academy of Sciences, Beijing 100085, China

Received 15 May 2015 accepted 1 June 2015

Abstract: The poverty in knowledge of neurodevelopment of Chinese rare minnow (*Gobiocypris rarus*) limited its application as a native model fish in neurotoxicital studies and risk assessment. In this case, partial of nerve growth factor (ngf), brain-derived neurotrophic factor (bdnf), glial fibrillary acidic protein (gfap), myelin-associated glycoprotein (mag), myelin protein zero (mpz), α 1-tubulin and SRY-box containing gene 10 (sox10) were cloned from

作者简介:陈曦(1989-),女,硕士,研究方向为渔业资源,E-mail: chen_xi0309@sina.com;

^{*} 通讯作者(Corresponding author), E-mail: jmzha@rcees.ac.cn

brain of rare minnow, and their sequences and transcriptional profile were also studied. Blasting results demonstrated that the sequences of gfap, ngf, mag and α 1-tubulin in rare minnow shared the highest identities with those of zebrafish (*Danio rerio*) (95%,92%,92% and 96%, respectively). bdnf gene shared the highest homology with the nucleotide sequence of *Carassius auratus* and *Cyprinus carpio* (98%), whereas mpz and sox10 were more homogenous with the nucleotide sequence of *Pimephales promelas* (94%) and *Hypophthalmichthys nobilis* (97%) respectively. Besides, the transcriptional profile revealed highest abundance of ngf, bdnf, mag, mpz, α 1-tubulin and sox10 mRNA in the brain and of gfap in the spinal cord of Chinese rare minnow. These results provided a foundation for future studies in neurodevelopment and neurotoxicity assessment using rare minnow as a native model fish. **Keywords:** neurodevelopment related genes; rare minnow (*Gobiocypris rarus*); clone; homology analysis; transcriptional profile

神经系统的发育主要包括特定神经元的增殖、 分化、迁移以及死亡,神经突产生、突触发生和髓鞘 形成等多级过程。其中任何环节受到干扰都会产生 持续的影响^[1-2]。神经生长因子(nerve growth factor; ngf)、脑源性神经营养因子(brain-derived neurotrophic factor; bdnf)、胶质纤维酸性蛋白(glial fibrillary acidic protein;gfap)、髓鞘相关糖蛋白(myelin-associated glycoprotein; mag)、P0 蛋白(myelin protein zero)、微管蛋白 α1 (α1-tubulin)、Y 染色体性别决定基 因 10(SRY-box containing gene 10) 是参与神经系统 发育过程的重要基因。ngf是第一个发现的神经营 养因子,具有调节神经元发育和分化的作用。bdnf 是含量最丰富的神经营养因子,在哺乳动物脑中广 泛存在且参与多种调控过程,例如神经元的分化、突 触的形成,还与学习记忆功能密切相关^[3-4]。gfap 是 星形胶质细胞的标志性蛋白,在神经发育和成熟中 发挥重要的作用^[5-6]。mag 是中枢神经系统中一个 小的跨膜糖蛋白,占髓鞘蛋白总量的1%左右,可以 被当作少突胶质细胞的生物标志物^[7],mpz 为形成 髓鞘的主要结构原件的调控基因,作用过程包括调 控施旺细胞的细胞膜附着,包裹住轴突,形成紧凑的 髓鞘,且可以刺激受伤轴突的再生,影响髓鞘的结构 和功能^[8]。α1-tubulin 是 α-tubulin 基因家族的微管 蛋白之一,对运动神经元功能的维持以及轴突和树 突的生长起着重要的作用。Sox10 基因与神经胶质 细胞的发育密切相关,在神经脊的发育神经色素的 衍生方面发挥重要作用¹⁹。

目前神经发育相关基因的研究还处于初级阶段,大多集中在表达水平和功能上的研究。Fan 等^[10]采用定量 PCR 技术,构建了斑马鱼α1-tubulin、 bdnf等基因的早期发育阶段表达谱,揭示了早期发 育过程中,发育时间与基因表达的关系。Bernardos^[11]发现斑马鱼在 12 hpf 时就可以检测到 gfap。 新生大鼠暴露一定浓度的毒死蜱,ngf 基因 mRNA 的表达水平受到强烈抑制,mag 的表达量在出生后 7 d(PND7)显著升高^[12];Capiotti 等^[13]对斑马鱼研究 发现,腺苷受体、DARPP-32 和 bdnf 表达于斑马鱼发 育早期,受到咖啡因作用后,由于机体补偿机制,腺 苷受体和基因表达的上调;Wang^[14]研究了尼古丁对 新生大鼠神经营养因子 bdnf 和 ngf 的影响,bdnf 和 ngf 表达于海马体和额皮质,尼古丁暴露后,与对照 组相比,所有实验组的神经营养因子表达量都显著 降低。然而多个神经发育相关基因的系统研究基本 上未见报道,大大限制了神经发育功能标志物以及 相关机制的研究。

本研究中,使用我国特有的一种小型鲤科鱼 类——稀有鮈鲫(Gobiocypris rarus)作为研究对象。 稀有鮈鲫主要分布于我国长江上游地区,它体积小, 易于培养,性成熟快,繁殖周期短,在实验室条件下 可以周年繁殖,产卵多、孵化率高,是一种理想的实 验材料^[15-16]。基于稀有鮈鲫为我国特有鱼类,全基 因组缺乏,特别是对于神经发育相关基因研究基本 上处于空白,因此本文采用 RT-PCR 的方法,克隆了 稀有鮈鲫神经系统发育相关的 7 个基因的片段,开 展了同源性分析,同时构建相应定量 PCR 方法,确 定了上述基因在稀有鮈鲫不同组织表达分布特征, 为神经系统发育的研究提供了分子生物学资料,同 时也为外源性化合物对鱼类神经系统发育的毒理学 影响等方面的研究提供了研究方法和基础资料。

1 材料与方法(Materials and methods)

1.1 试剂

Trizol reagent、反转录酶 M-MLV、Oligo(dT)、 dNTP、Rnasin、纯化试剂盒等均购于美国 Promega 公司。其他常用试剂均为国产分析纯。

1.2 稀有鮈鲫的饲养

所用稀有鮈鲫均饲养于本实验室。养殖用水为 曝气除氯并且经过活性炭过滤的自来水(pH=7.2~ 7.6),硬度为44.0~61.0 mg CaCO₃ · L⁻¹,温度为(25± 1) ℃,光照周期为 16 h:8 h(昼:夜)。每天投喂新孵 化的丰年虫(*Artemia nauplii*)和水蚯蚓。

1.3 总 RNA 提取和 cDNA 合成

取稀有鮈鲫于冰上麻醉,迅速解剖取出脑、肝 脏、鳃等组织,使用 Trizol 法提取组织总 RNA 并置 于-80 ℃超低温冰箱保存备用。

按照 promega 公司 M-MLV 的逆转录说明书合 成 cDNA 第一链,所有试剂均购自美国 promega 公 司。总 RNA 2 μ g,Oligo(dT) 2 μ L,无核酸酶水补齐 至 15 μ L 混匀,于 70 ℃ 温育 5 min,迅速于冰中冷 却。然后依次加入: 5 μ L 5x Reaction Buffer M-MLV,1.25 μ L dNTP mix,1 μ L RNAasin,2 μ L M-MLV 和 ddH₂O 0.75 μ L,总共 25 μ L 体系,整个过程 在冰上进行。混匀后置于 42 ℃ 温育 1 h,并于-20 ℃冻存。

1.4 基因克隆

根据 GenBank(http://www.ncbi.nlm.nih.gov/genbank/)中与稀有鮈鲫亲缘关系较近的已知鱼类的目 的基因序列,利用 DNAMAN6.0.40 软件进行比对, 选择其保守区设计引物,以脑组织 cDNA 为模板, 进行 PCR 扩增。PCR 总反应体系为 25 µL:1 µL cDNA 模板、1 µL 上游引物、1 µL 下游引物、12.5 µL mastermix 和 9.5 µL ddH₂O。PCR 扩增条件为: 94 ℃预变性 5 min;94 ℃ 30 s,57 ℃ 30 s,72 ℃ 30 s,35 个循环;最后延伸 10 min。PCR 扩增产物经 1.5% 的琼脂糖凝胶电泳检测并将产物送去北京生 工工程技术有限公司进行测序。

1.5 序列分析及系统发育树的构建

所测序列在 NCBI (http://www.ncbi.nih.gov/ BLAST/) 上进行 BLAST 分析,判定是否为目的基因,同时将序列提交至 GenBank 数据库。

将基因序列利用 DNAman 软件分析,推导出氨基酸序列。从 GenBank 上下载不同物种基因的氨基酸序列,利用 Clustal X 1.81 软件进行序列的比较,并用 Mega 5.1 软件构建系统发育树。

1.6 荧光定量 PCR

荧光定量 PCR 采用荧光定量 PCR 仪 7500 Real-Time PCR system (Applied Biosystems, USA), 内参 基因使用管家基因 β-actin, 根据测序得到的序列设 计定量 PCR 引物。定量 PCR 反应体系为:2 µL cD-NA 模板、0.4 µL 正向引物、0.4 µL 反向引物、10 µL GoTaq[®] qPCR Master Mix 和 7.2 µL ddH₂O。PCR 反应程序为 95 ℃,10 min;40 个循环:95 ℃ 15 s,57 ℃ 40 s,72 ℃ 30 s;最后 1 个循环做出熔解曲线:95 ℃ 30 s,57 ℃ 30 s,72 ℃ 60 s。每个样品 3 次重复。 目的基因的相对表达量根据 2^{-ΔΔCt}法计算。

1.7 数据处理与分析

所有数据均通过 SPSS16.0 (SPSS, Chicago, IL, USA)分析处理。荧光定量 PCR 结果均表示为平均 值±标准偏差(means ± S.E.),作图软件使用 Origin-Pro 8.0。

2 结果(Results)

2.1 稀有鮈鲫神经发育相关基因的克隆

采用 RT-PCR 技术对稀有鮈鲫脑组织中与神经 发育相关的 7 个基因(ngf、bdnf、gfap、mag、mpz、α1tubulin、sox10)进行克隆,片段大小分别为 281,413, 554,260,283,368 和 393 bp。电泳结果表明,各个 PCR 产物均为单一明亮的条带(图 1),且实验重复性 较好,可以满足接下来实验的要求。将测序得到的 片段序列提交至 GenBank 数据库,获得登录序列号 (表 1)。





将序列在 NCBI 上做 Blastn 分析,与其他典型 鱼类的同源性分析结果统计于表 2。可以看出,bdnf 的核苷酸序列与鲫鱼、鲤鱼的同源性最高,均为 98%;gfap、ngf、mag 和 α1-tubulin 与斑马鱼的同源 性最高,分别为 95%、92%、92%和 96%;mpz 与黑 头软口鲦的同源性最高,为 94%;sox10 与鳙鱼同源 性最高,达 97%。

将获得的 7 个基因的核苷酸序列开展了 Blastp 分析,结果发现与稀有鮈鲫 bdnf 基因相似的鱼类数 量最多,因此以bdnf为例,运用软件Mega5.1构建

11:1-1 1:21				
基因名称	引物序列	GenBank 序列号	产物大小/bp	
Gene name	Primer sequence	GenBank no.	Product size/bp	
ngf	Forward: GGGAGGGAAATAAAACC	V D170114	291	
	Reverse: CAGCACACACACGCAAG	KP1/8114	201	
bdnf	Forward: GTTGACCTGTATGCCTC	VD170115	413	
	Reverse: CGATCTTCCTTTTGCTA	KP1/8115		
gfap	Forward: TCTAAGCCAGACTTGACC	VD170110	554	
	Reverse: CACAACTATGCTCCTCTTC	KP1/8112	554	
mag	Forward: GTTTCAACTACTACACGCAC	VD170111	260	
	Reverse: CTTTTTATTATTCTGACCGA	KP1/8111	200	
mpz	Forward: GTGACGGTTCTATCCTGA	VD216200	282	
	Reverse: TTCCTTTGCCTTTCTTGC	KP310209	283	
α 1 - tubulin	Forward: GAAGATGCTGCCAATAACT	VD170112	368	
	Reverse: GGTGTAAGTAGGACGCTCA	KP1/8115		
sox10	Forward: GAGGCGGTCAGTCAGGT	V D204529	202	
	Reverse: GGCTCTTGTAATGCGATT	Nr294328	373	

表1 PCR 所用的引物序列

Table 1 Primer sequences used for PCR

表 2 稀有鮈鲫与其他已知鱼类相应核苷酸序列的同源性比较

Table 2 Homology comparison of nucleotide sequences between Gobiocypris rarus and other fish species

基因名称	物种名称	同源性	GenBank 序列号	
Gene name	Specie name	Homology	GenBank no.	
	稀有鮈鲫 Gobiocypris rarus	100%	KP178114	
naf	斑马鱼 Danio rerio	92%	BC164993.1	
ngi	青鳉 Oryzias latipes	78%	XM004068938.1	
	孔雀鱼 Poecilia reticulata	78%	XM008408951.1	
	稀有鮈鲫 Gobiocypris rarus	100%	KP178115	
	鲫鱼 Carassius auratus	98%	EU828243.1	
	鲤鱼 Cyprinus carpio	98%	L27171.1	
	斑马鱼 Danio rerio	97%	NM131595.2	
bdnf	黑棘鲷 Acanthopagrus schlegelii	89%	KF636413.1	
	青鳉 Oryzias latipes	89%	XM004067040.1	
	牙鲆 Paralichthys olivaceus	89%	AY074888.1	
	虹鳟 Oncorhynchus mykiss	88%	GU108576.1	
	欧洲鳗鲡 Anguilla anguilla	87%	AY762996.1	
	稀有鮈鲫 Gobiocypris rarus	100%	KP178112	
	鲫鱼 Carassius auratus	94%	L23876.1	
鲫鱼 Carassius auratus94%gfap斑马鱼 Danio rerio93%虹鳟 Oncorhynchus mykiss81%	斑马鱼 Danio rerio	93%	AY151284.1	
	81%	AY170626.1		
	罗非鱼 Oreochromis mossambicus	78%	DQ001950.1	
maa	稀有鮈鲫 Gobiocypris rarus	100%	KP178111	
mag	斑马鱼 Danio rerio	92%	NM001007062.1	
	稀有鮈鲫 Gobiocypris rarus	100%	KP316209	
mpz	黑头软口鲦 Pimephales promelas	94%	FJ755481.1	
	斑马鱼 Danio rerio	90%	NM194361.2	
ol tubulin	稀有鮈鲫 Gobiocypris rarus	100%	KP178113	
ar-tubulli	斑马鱼 Danio rerio	96%	NM001105126.2	
	稀有鮈鲫 Gobiocypris rarus	100%	KP294528	
sov 10	鲤鱼 Cyprinus carpio	92%	KC480581.1	
50710	鳙鱼 Hypophthalmichthys nobilis	鮈鲫 Gobiocypris rarus100%斑马鱼 Danio rerio96%鮈鲫 Gobiocypris rarus100%里鱼 Cyprinus carpio92%Iypophthalmichthys nobilis97%	KC847696.1	
	斑马鱼 Danio rerio	92%	BC163883.1	





注:涉及物种包括半滑舌鳎(XP_008308227.1),大黄鱼(KKF28103.1), Paralichthys olivaceus 牙鲆(AAL71888.1),埃氏拟丽鱼(AEY99594.1),青鳉 (XP_004067087.1),虹鳟(ACY54685.1),墨西哥丽脂鲤(XP_007246974.1),斑马鱼(NP_571670.2),鲫鱼(ACF35050.1),鲤鱼(Q90322.1),金色大鼠 (ACN32758.1),毛足鼠(BAO51936.1),褐家鼠(ACU43589.1),美洲海牛(AEY99501.1)。

Fig. 2 Phylogenetic tree ofbdnf gene sequence between *Gobiocypris rarus* and other species based on NJ (neighbor-joining) method Note: *Cynoglossus semilaevis* (XP_008308227.1), *Larimichthys crocea* (KKF28103.1), *Paralichthys olivaceus* (AAL71888.1), *Maylandia estherae* (AEY99594.1), *Oryzias latipes* (XP_004067087.1), *Oncorhynchus mykiss* (ACY54685.1), *Astyanax mexicanus* (XP_007246974.1), *Danio rerio* (NP_571670.2), *Carassius auratus* (ACF35050.1), *Cyprinus carpio* (Q90322.1), *Mesocricetus auratus* (ACN32758.1), *Phodopus sungorus* (BAO51936.1), *Rattus norvegicus* (ACU43589.1), *Trichechus manatus* (AEY99501.1).

了基因序列的核苷酸系统发育进化树(图 2)。由图 可知,稀有鮈鲫与斑马鱼、鲫鱼等鲤科鱼类亲缘关系 最接近,与大鼠等哺乳类关系较远。

基于获得的序列片段,使用 Primer Premier 5.0 软件,设计定量 PCR 引物,引物序列见表 3,并构建 相应定量 PCR 方法,测定了 ngf、bdnf、gfap、mag、 mpz、α1-tubulin 和 sox10 基因在稀有鮈鲫脑、脊髓、 眼睛、肝脏、性腺、鳃和肌肉7个组织中的 mRNA 表 达量(图 3)。ngf 基因在成鱼不同组织的的表达量表 现为:在脑中表达量最高,性腺、眼和脊髓中也有一 定表达,在鳃和肌肉中表达量较低;bdnf 基因在成 鱼不同组织的的表达量表现为:在脑中高表达,其他 6个组织中几乎不表达;gfap 基因在成鱼不同组织 的的表达量表现为:在脑、脊髓和眼中表达水平较 高,其余组织中几乎不表达:mag 基因在成鱼不同组 织的的表达量表现为:在脑中出现大量表达,脊髓中 表达较低,其他组织中几乎不表达;α1-tubulin 基因 在成鱼不同组织的的表达量表现为:在脑、脊髓和眼 中均有所表达,在肝脏、性腺、鳃、肌肉中表达极少:

表 3 qRT	-PCR 所用的引物序列
---------	--------------

Table 3	Primer	sequences	used	for	qRT-PCR
---------	--------	-----------	------	-----	---------

基因名称	引物序列	产物大小/bp	
Gene name	Primer sequence	Product size/bp	
ngf	Forward:CAGGTCGTCTCAAAAAAGT	100	
	Reverse:AGGGAAATAAAACCAAAGC	109	
bdnf	Forward:TAATACTGTCACAAACGCT	101	
	Reverse:GGAATACAAAAACTACCTA	101	
mag	Forward: CGGCTCTGAGACCATCCGCTTG	94	
	Reverse: GCCACACCTCCGATAGTCCCCA	04	
α1-tubulin	Forward:TAGGGTGGTGTGTGTGG	125	
	Reverse: TGGAGCGTCTGTCTGTG	123	
mpz	Forward:GTGATGCCAAGAACCCACCTGA	114	
	Reverse: CAACGCCAATAATAGCCCCTGT	114	
sox10	Forward:TCTGGAGGCTGCTGAA	106	
	Reverse: CGTGGCTGGTATTTGT	100	
gfap	Forward:GAGGAGTGGTATCGCTCAAAG	135	
	Reverse: AGATTCCAGGTCACAGGTCAG		
β - actin	Forward: CTATGTTGGTGACGAGGCTCA	on ا	
	Reverse: CCCAGTTGGTGACAATACCG	82	



图 3 ngf, bdnf, gfap, mag, α1-tubulin, mpz 和 sox10 基因在稀有鮈鲫组织中的表达 Fig. 3 Expression of ngf, bdnf, gfap, mag, α1-tubulin, mpz and sox10 mRNA in a panel tissues of rare minnow

mpz除了在脑中表达,脊髓中表达量也相对较高,其他组织中几乎不表达;sox10在脊髓中表达,表达量明显低于脑中,同时在眼和肌肉中也可以检测到,但表达量低于脊髓。结果表明7个基因在脑中表达量相对最高,其他组织中表达存在显著的差异。

3 讨论(Discussion)

稀有鮈鲫作为我国特有的一种小型鲤科鱼类,

基于个体小、繁殖快、基因纯等多个优点,越来越多 的应用于遗传、生理和环境科学等研究领域。然而 目前稀有鮈鲫背景分子生物基础相对薄弱,尤其是 神经系统发育相关的基础研究处于空白阶段。本文 克隆了稀有鮈鲫神经系统发育相关的7个基因:ngf、 bdnf、gfap、mag、mpz、αl-tubulin 和 sox10。序列比对 发现,稀有鮈鲫与斑马鱼的同源性较好,所有基因都 和斑马鱼相应的核苷酸序列的同源性超过90%。

神经元是构成神经系统的基本单位, α 1-tubulin 是合成细胞骨架、维持神经元运动的一种重要的微 管蛋白,ngf和 bdnf 是维持和促进神经元发育和分 化的重要的两个神经营养因子。ngf 是从小鼠下颌 中分离得到的,是人们发现的第一个神经营养因 子^[17],随后人们相继获得了多种动物的 ngf 基因片 段,序列比较发现,在不同的物种间,ngf的氨基酸 和 mRNA 序列高度保守^[18]; bdnf 是含量最丰富的神 经营养因子。Leibrock 等^[19]首次从猪脑中克隆出 bdnf 基因,1994 年余云开等^[20]完成了人和猪脑组织 中 bdnf 片段的克隆和序列测定,此外,还进行了爬 行类[21]、鸟类[22]及其他哺乳动物[23-24] bdnf 基因的序 列测定和分析。研究发现,bdnf在哺乳类甚至整个 脊椎动物中高度保守。本研究中,bdnf 与鲫鱼的同 源性最高,达到 98%, α1-tubulin、ngf 和 bdnf 与斑马 鱼的同源性分别为 96%、92% 和 97%, 提示上述基 因在稀有鮈鲫与其他鱼类中高度保守。每个神经元 都有且只有一条轴突,它在离开神经元胞体一定距 离后会生成髓鞘, mag 和 mpz 在髓鞘的形成和维 持、髓鞘化的启动过程中发挥了至关重要的作用,在 受到外界干扰时,基因的表达量会降低[12]。

神经胶质细胞是神经系统中数量最多的细胞, 约占脑体积的一半以上。gfap和 sox10 均参与星形 胶质细胞的发育过程, sox 基因家族成员都含有一 个保守的 HMG (High mobility group) 盒^[25], sox10 是 sox 基因家族的一员, 它不但能够促进神经胶质发 育, 而且能影响感觉神经元和自主神经的分化^[26], 本 研究结果显示, 稀有鮈鲫 gfap 与鲫鱼和斑马鱼的基 因同源性分别达到 94%和 93%, 其 sox10 基因与鳙 鱼的同源性为 97%, 表明它们在稀有鮈鲫与其他鱼 类中具有较高的保守型。上述基因的克隆为我们进 一步研究它们在遗传学、基因的表达和调控方面提 供了数据, 也为稀有鮈鲫在生态毒理学和风险评价 方面的应用奠定了基础。

本文我们提取了脑、脊髓、眼、肝脏、性腺、鳃和 肌肉7个组织,对基因进行了组织表达分布研究。 结果表明,bdnf和mag在脑组织中高表达,在其他 组织表达量很少甚至不表达,具有组织表达特异性。 gfap在稀有鮈鲫脊髓中表达量最高,其次是脑和眼 组织。gfap是构成胶质细胞支架的主要部分,其表 达量的高低与胶质细胞的活性状态密切相关^[27],文 献报道gfap参与西加那利蜥蜴(*Gallotia gallotia*)中 枢神经系统的再生过程^[28],视网膜是中枢神经系统 的外周组织,同样 gfap 在视网膜细胞中检测到了的 表达^[29]。另外在壁虎研究中发现同样 gfap 主要表 达于脑和脊髓中^[30]。脊髓是控制躯体及内脏运动和 感觉的低级中枢,它联系了脑与外周神经系统,控制 着基本的神经反射。本文 gfap 基因表达结果表明 稀有鮈鲫与蜥蜴、壁虎相类似,表达于脑、脊髓和视 网膜中。提示 gfap 在稀有鮈鲫体内与其他物种有 类似功能。对于 ngf 的研究仅局限于神经系统,但 是最近在生殖系统等非神经系统中也检测到了 ngf 的表达,表明 ngf 对生殖系统的生长发育产生作 用^[31]。Ren 等^[32]在山羊卵巢的颗粒细胞、膜细胞、间 质细胞及黄体细胞中都检测到了 ngf 的表达,表明 ngf 在卵泡发育和黄体功能中发挥重要作用。Shi^[33] 在金仓鼠子宫进行研究,结果显示,ngf在子宫内膜 上皮细胞、腺细胞中有表达。本文对于 ngf 表达检 测发现,除脑、脊髓和眼之外,ngf 在稀有鮈鲫的性 腺组织中也有较高的表达,表明 ngf 不仅与神经发 育相关,同时可能与性腺细胞发育相关。

本文获得了 ngf、bdnf、gfap、mag、mpz、α1-tubulin 和 sox10 基因序列信息和组织中分布,为补充和 完善背景生物学信息以及深入研究神经系统的发育 机制提供基础,同时为进一步研究环境污染物神经 毒性作用机制提供了分子生物学基础。

通讯作者简介:查金苗(1975-),男,博士,研究员,主要研究兴 趣包括水生生物模型体系的构建和发展、水环境生物毒性测 试方法、环境内分泌干扰物的筛选技术研究、环境污染物对 水生生物分子毒理机制和水生态系统完整性评估方法等,在 国内外学术刊物上发表高水平论文 70 余篇,SCI 论文 40 余篇。

参考文献(References):

- Cowden J, Padnos B, Hunter D, et al. Developmental exposure to valproate and ethanol alters locomotor activity and retino-tectal projection area in zebrafish embryos [J]. Reproductive Toxicology, 2012, 33(2): 165–173
- [2] Selderslaghs I W, Hooyberghs J, Blust R, et al. Assessment of the developmental neurotoxicity of compounds by measuring locomotor activity in zebrafish embryos and larvae [J]. Neurotoxicology and Teratology, 2013, 37: 44– 56
- [3] Cunha C, Brambilla R, Thomas K L. A simple role for BDNF in learning and memory? [J]. Frontiers in Molecular Neuroscience, 2010, 3(1): 1–14
- [4] Park H, Poo M M. Neurotrophin regulation of neral cir-

cuit development and function [J]. Nature Reviews Neuroscience, 2013, 14(1): 7-23

- [5] Gomes F C, Garcia-Abreu J, Galou M, et al. Neurons induce GFAP gene promoter of cultured astrocytes from transgenic mice [J]. Glia, 1999, 26(2): 97–108
- [6] Nielsen A L, Jorgensen A L. Structural and functional characterization of the zebrafish gene for glial fibrillary acidic protein, GFAP [J]. Gene, 2003, 310: 123–132
- [7] Arquint M, Roder J, Chia L S, et al. Molecular cloning and primary structure of myelin-associated glycoprotein
 [J]. Proceedings of the National Academy of Sciences of the United States of America, 1987, 84(2): 600-604
- [8] Zhao L, Liu Q J, Chen H, et al. The effect of 2,5-hexanedione on myelin protein zero expression, and its mitigation using ginkgo biloba extract [J]. Biomedical and Environmental Sciences, 2011, 24(4): 374-382
- [9] Kelsh R N. Sorting out Sox10 functions in neural crest development [J]. BioEssays, 2006, 28(8): 788-798
- [10] Fan C Y, Cowden J, Simmons S O, et al. Gene expression changes in developing zebrafish as potential markers for rapid developmental neurotoxicity screening [J]. Neurotoxicology and Teratology, 2010, 32(1): 91–98
- [11] Bernardos R L, Raymond P A. GFAP transgenic zebrafish[J]. Gene Expression Patterns, 2006, 6(8): 1007–1013
- [12] Betancourt A M, Burgess S C, Carr R L. Effect of developmental exposure to chlorpyrifos on the expression of neurotrophin growth factors and cell-specific markers in neonatal rat brain [J]. Toxicological Sciences, 2006, 92(2): 500–506
- [13] Capiotti K M, Menezes F P, Nazario L R, et al. Early exposure to caffeine affects gene expression of adenosine receptors, DARPP-32 and BDNF without affecting sensibility and morphology of developing zebrafish (*Danio rerio*)
 [J]. Neurotoxicology and Teratology, 2011, 33(6): 680 685
- [14] Wang X Y. The exposure to nicotine affects expression of brain-derived neurotrophic factor (BDNF) and nerve growth factor (NGF) in neonate rats [J]. Neurological Sciences, 2015, 36(2): 289–295
- [15] Liang X F, Wang M, Chen X, et al. Endocrine disrupting effects of benzotriazole in rare minnow (*Gobiocypris rarus*) in a sex-dependent manner [J]. Chemosphere, 2014, 112: 154–162
- [16] 曹文宣, 王剑伟. 稀有鮈鲫—一种新的鱼类实验动物
 [J]. 实验动物科学与管理, 2003, 20(S1): 96-99
 Cao W X, Wang J W. Rare minnow: A new laboratory animal in China [J]. Laboratory Animal Science and Management, 2003, 20(S1): 96-99 (in Chinese)

- [17] Cohen S, Levi-Montalcini R, Hamburger V. A nerve growth-stimulating factor isolated from sarcom as 37 and 180 [J]. Proceedings of the National Academy of Sciences of the United States of America, 1954, 40(10): 1014 1018
- [18] Scott J, Selby M, Urdea M, et al. Isolation and nucleotide sequence of a cDNA encoding the precursor of mouse nerve growth factor [J]. Nature, 1983, 302(5908): 538-540
- [19] Leibrock J L F, Hohn A, Hofer M, et al. Molecular cloning and expression of brain-drived neurotrophic factor [J]. Nature, 1989, 341: 149–152
- [20] 余云开,华仲慰,郭建荣,等. 人及猪脑源性神经营养因子基因克隆[J]. 科学通报, 1994, 39(1): 76-78
 Yu Y K, Hua Z W, Guo J R, et al. Cloning of brain-derived neurotrophic factor gene of human and pigs [J]. Chinese Science Bulletin, 1994, 39(1): 76-78 (in Chinese)
- [21] 曹政,杨玉华,张义正.大凉疣螈脑源性神经营养因子 (BDNF)基因的克隆与序列分析[J].应用与环境生物学 报, 2002, 8(3): 314-316
 Cao M, Yang Y H, Zhang Y Z. Cloning and sequence a-nalysis of brain-derived neurotrophic factor gene of *Tylototriton taliangensis* [J]. Chinese Journal of Applied and Environmental Biology, 2002, 8(3): 314-316 (in Chinese)
 [22] 杨光,陈红卫,杨玉华,等.四川山鹧鸪脑源性神经营
 - [22] 杨光, 陈红卫, 杨玉华, 寺. 四川田鹧鸪脑源性神经营养因子(BDNF)基因的扩增与序列分析[J]. 四川大学学报: 自然科学版, 2000, 37: 195-198
 Yang G, Chen H W, Yang Y H, et al. The amplification and sequence analysis of the brain derived neurotophic factor (BDNF) gene form Sichuan Partridge [J]. Journal of Sichuan University: Natural Science Edition, 2000, 37: 195-198 (in Chinese)
- [23] 林峰,杨玉华,张义正,等. 小熊猫脑源性神经营养因子(BDNF)基因的克隆与序列分析[J]. 四川大学学报:自然科学版, 1997, 34(3): 367-370
 Lin F, Yang Y H, Zhang Y Z, et al. Molecular cloning and sequencing of the brain derived neurotrophic factor (BD-NF) gene from lesser panda [J]. Journal of Sichuan University: Natural Science Edition, 1997, 34(3): 367-370 (in Chinese)
- [24] 林峰,杨玉华,张义正,等. 马来熊脑源性神经营养因子基因编码区的克隆与序列分析[J]. 动物学报, 1998, 44(1): 102-106
 Lin F, Yang Y H, Zhang Y Z, et al. Molecular cloning and

Lin F, Yang Y H, Zhang Y Z, et al. Molecular cloning and sequence of the coding region of brain derived neurotrophic factor (BDNF) gene from *Helarctos malayanus* [J]. Acta Zoologica Sinica, 1998, 44(1): 102–106 (in Chinese)

[25] Rehberg S, Lischka P, Glaser G, et al. Sox10 is an active

nucleocytoplasmic shuttle protein, and shuttling is crucial for sox10-mediated transactivation [J]. Molecular and Cellular Biology, 2002, 22(16): 5826–5834

- [26] 章卓,苏建明,肖调义. Sox10 在感觉神经元发育中的 作用[J]. 中南林业科技大学学报, 2010, 30(10): 94-106 Zhang Z, Su J M, Xiao T Y. A genetic investigation of the role of sox10 in sensory neuron development [J]. Journal of Central South University of Forestry & Technology, 2010, 30(10): 94-106 (in Chinese)
- [27] Bigini P, Bastone A, Mennini T. Glutamate transporters in the spinal cord of the wobbler mouse [J]. Neuroreport, 2001, 12(9): 1815–1820
- [28] Romero-Alemán M M, Mónzon-Mayor M, Yanes C, et al. Radial glial cells, proliferating periventricular cells, and microglia might contribute to successful structural repair in the cerebral cortex of the lizard *Gallotia galloti* [J]. Experimental Neurology, 2004, 188(1): 74–85
- [29] Sassoe P M, Panzanelli P, Artero C, et al. Comparative study of glial fibrillary acidic protein (GFAP)-like immunoreactivity in the retina of some representative vertebrates [J]. European Journal of Histochemistry, 1992, 36 (4): 467–477

- [30] 高德宏. 多疣壁虎 GFAP 基因的克隆及其脊髓横断损 伤后 GFAP 的表达变化[D]. 武汉: 华中科技大学, 2010 Gao D H. The molecular cloning of glial fibrillary acidic protein in Gekko japonicus and its expression changes after spinal cord transection [D]. Huazhong University of Science and Technology, 2010 (in Chinese)
- [31] 李犇,李秀雯,宋默识,等. 神经生长因子及其受体在 雌性哺乳动物生殖系统中的作用[J]. 科技咨询, 2009, 3: 9-10
 Li B, Li X W, Song M S, et al. The effects of nerve growth factor and its receptors in female mammalian reproductive system [J]. Science & Technology Information, 2009, 3: 9-10 (in Chinese)
- [32] Ren L, Mohamed S M, Weng Q, et al. Immunolocalization of nerve growth factor (NGF) and its receptors (TrkA and p75LNGFR) in the reproductive organs of Shiba goats [J]. The Journal of Reproduction and Development, 2005, 51(3): 399–404
- [33] Shi Z. Studies on expression and regulation of nerve growth factor and inhibin / activin in reproductive organs of the female golden hamster [D].Tokyo: Tokyo University of Agricuture and Technology, 2004